

Annuncio offerta lavoro		Codice selezione: 186_CRI_MGC
Tipologia della posizione e numero posizioni da coprire	N. 1 (una) posizione a tempo indeterminato di Tecnologo di terzo livello nel settore della Metagenomica Computazionale.	
Struttura di assegnazione e responsabile della posizione	Centro Ricerca e Innovazione (CRI), Centro Biologia Computazionale (CBC).	
Requisiti di accesso richiesti	<ol style="list-style-type: none"> 1. Laurea specialistica o magistrale, equivalente a Master of Science in: Ingegneria informatica, Ingegneria delle telecomunicazioni, Informatica, matematica; 2. Conoscenza della lingua italiana (livello minimo C1) e della lingua inglese (livello minimo B1), accertata in sede di colloquio di selezione. 	
Descrizione della posizione lavorativa	Attività di ricerca e sviluppo di algoritmi e metodi di analisi statistica di dati di metagenomica, e della loro implementazione come pacchetti software in uno dei seguenti linguaggi: python, C/C++ o all'interno dell'ambiente R. Il candidato selezionato sarà inoltre responsabile dell'installazione e della manutenzione di pipeline di analisi di dati di metagenomica sui server del centro ricerche accessibili ai ricercatori del CRI e della assistenza agli utenti. Inoltre, il candidato selezionato si occuperà dello sviluppo e dell'implementazione di algoritmi per l'integrazione e l'analisi statistica di dati -omici, in particolare di genomica, metagenomica e metabolomica.	
Mansioni	<p>Il candidato selezionato sarà responsabile:</p> <ul style="list-style-type: none"> • dello sviluppo di algoritmi di analisi statistica dei dati di metagenomica; • della loro implementazione come pacchetti software usando i linguaggi di programmazione python, C/C++ e l'ambiente R; • dell'installazione e manutenzione di pipeline di analisi di dati di metagenomica sui server del Centro Ricerche e Innovazione; • di fornire assistenza ai ricercatori del Centro Ricerche e Innovazione nel campo dell'integrazione e analisi statistica dei dati -omici, in particolare di metagenomica; • della formazione della comunità degli utenti. 	
Parole chiavi	Statistical data mining, metagenomica, programmazione python, C/C++, R.	
Modalità di svolgimento della selezione	Titoli (massimo 30 punti) e colloquio (massimo 70 punti). La formulazione degli esiti della selezione avviene sulla base della somma dei punteggi conseguiti nei titoli e nel colloquio.	
Materie oggetto del colloquio	<p>Nel corso del colloquio, che si svolgerà in lingua italiana, verrà verificata la conoscenza di (massimo 70 punti):</p> <ul style="list-style-type: none"> • metodi di statistical data mining e machine learning (fino a 20 punti, votazione minima richiesta 12); • metodi di analisi di dati di metagenomica e sviluppo di algoritmi nel campo della metagenomica computazionale (fino a 25 punti, votazione minima richiesta 14); • conoscenza dei linguaggi di programmazione python e C/C++ e dell'ambiente R (fino a 20 punti, votazione minima richiesta 12); • attività e organizzazione fondamentale della FEM, diritti e doveri del dipendente (fino a 5 punti, votazione minima richiesta 2). <p>Il candidato dovrà raggiungere una valutazione minima al colloquio pari a punti 55/70.</p>	

<p>Criteria di preselezione</p>	<p>Sulla base delle informazioni presenti nei <i>curricula</i> o comunque comprovate dai candidati, verranno selezionate e quindi ammesse al colloquio le migliori 5 candidature individuate in relazione al maggior punteggio conseguito secondo i seguenti criteri (massimo 30 punti):</p> <ul style="list-style-type: none"> • esperienza, ulteriore rispetto ai requisiti di accesso, nello sviluppo e applicazione di metodi di statistical data mining e machine learning per dati biologici, e nello sviluppo e applicazione di pipelines di analisi per dati di metagenomica, maturata come dipendente, contrattista o dottorato presso Laboratori altamente qualificati / Istituti di ricerca / Università. (punti da 0,5 a 2 per anno in relazione all’attinenza dell’attività di ricerca, sino ad un massimo di 12 punti); • numero di pubblicazioni scientifiche con Impact Factor inerenti al settore della Bioinformatica, Statistical Data Mining, Machine Learning, e loro applicazioni nel campo della Metagenomica e delle scienze della vita (da 0.5 a 2 punti per ogni pubblicazione, a seconda del fattore di impatto (if): 0,5 se if minore di 2; 1 se if è tra 2 e 4; 1,5 se if è tra 4 e 10; 2 se if è oltre 10; e sino ad un massimo di 12 punti); • numero di pacchetti software sviluppati nel campo del machine learning, del data mining e dell’analisi di dati di metagenomica e pubblicamente disponibili (1 punto per pacchetto e sino ad un massimo di 6 punti).
<p>Conoscenza lingue dai livelli del Quadro comune europeo (QCER): Livello di conoscenza e modalità di accertamento</p>	<p>Oltre, in caso di candidati stranieri, alla conoscenza parlata e scritta dell’italiano (livello minimo corrispondente al B1) che viene verificata in sede di colloquio svolto in lingua italiana, per tutti i candidati ammessi a colloquio, verrà inoltre verificata la conoscenza parlata e scritta dell’inglese (da verificarsi tramite colloquio su argomento di carattere tecnico-scientifico) di livello minimo corrispondente al C1. <i>Per comprendere i livelli di conoscenza richiesti consultare la pagina dedicata nel sito EUROPASS:</i> https://europass.cedefop.europa.eu/it/resources/european-language-levels-cefr L’accertamento del mancato possesso della conoscenza dell’italiano di livello corrispondente al C1 e dell’inglese di livello corrispondente al B1 comporterà l’esclusione dalla selezione. La conoscenza della lingua inglese, autocertificata in fase di preselezione, viene verificata, come sopra specificato, durante il colloquio. L’accertamento del mancato possesso della conoscenza dell’inglese di livello corrispondente al C1 comporterà l’esclusione dalla selezione.</p>
<p>Modalità ed i termini per la comunicazione del diario e della sede ai candidati ritenuti ammessi alla prova</p>	<p>Gli ammessi al colloquio riceveranno comunicazione della data e del luogo tramite posta elettronica (NO PEC) al contatto utilizzato per l’invio del curriculum almeno 10 giorni prima del suo svolgimento; I colloqui saranno svolti presso la Fondazione E. Mach in San Michele all’Adige (TN).</p>
<p>Trattamento economico lordo</p>	<p>Contratto a tempo indeterminato CCPL Fondazioni con inquadramento di Tecnologo di terzo livello, compenso attuale lordo annuo incluse 13° e 14° mensilità di Euro 38.158,73.</p>
<p>Termine per la presentazione delle domande e termine di conclusione della procedura di selezione</p>	<p>Le domande devono pervenire entro e non oltre le ore 23:59 (farà fede la data e ora di ricezione nell’account di posta elettronica della Fondazione) del 28 gennaio 2016; La procedura di selezione avrà come termine massimo il 28 luglio 2016.</p>
<p>Modalità di presentazione della domanda</p>	<p>La domanda per partecipare alla selezione (curriculum vitae professionale e altra documentazione idonea), dovrà essere inviata in formato elettronico alla casella di posta elettronica (NO PEC) curricula@fmach.it, indicando in oggetto al messaggio il codice</p>

	<p>della selezione (186_CRI_MGC – T3 metagenomica computazionale). Il curriculum lavorativo dovrà essere salvato con l'estensione: Cognome Nome_CV.doc oppure .pdf. Nel caso di difficoltà nella presentazione della domanda dovuta a disabilità, si invita a contattare il numero 0461 615542.</p>
Documentazione da comprovare in caso di assunzione e i relativi termini	<p>Entro 10 giorni antecedenti all'assunzione il candidato dovrà fornire, pena decadenza dall'assunzione:</p> <ul style="list-style-type: none"> • Certificato di Laurea specialistica o magistrale, equivalente a Master of Science in: Ingegneria informatica, Ingegneria delle telecomunicazioni, Informatica.
Esito della selezione	<p>L'esito della selezione verrà comunicato ai candidati al termine della procedura della selezione in forma individuale via posta elettronica (NO PEC) al contatto utilizzato per l'invio del curriculum.</p>
Condizioni per l'assunzione e appartenenza Legge 68/99	<p>Si fa presente che la Fondazione Edmund Mach dà applicazione al D.lgs. 368/2001, compreso l'art. 5, comma 4bis, che esclude la possibilità di legittimamente prorogare o rinnovare contratti a termine per mansioni equivalenti oltre i 36 mesi. Inoltre la Fondazione si riserva la facoltà di effettuare gli opportuni controlli in merito alla veridicità di quanto dichiarato nella domanda e nel curriculum allegato. Si invitano infine i candidati con il riconoscimento della Legge 68/99 a segnalarlo nel curriculum inviato per la partecipazione alla selezione.</p>
Trattamento dei dati	<p>Nel curriculum dovrà essere inserita la seguente frase, in caso contrario la candidatura non sarà presa in considerazione: Acconsento al trattamento dei miei dati personali in accordo con il D.lgs. 196/2003. Il/La candidato/a si assume la responsabilità relativamente a tutti i dati inseriti nella domanda di partecipazione e nel proprio curriculum vitae. Al/la candidato/a ritenuto/a idoneo/a per la posizione offerta, la Fondazione si riserva di chiedere prova documentata dei titoli elencati.</p>

Prima dello svolgimento delle prove e del colloquio di valutazione viene effettuata l'identificazione del candidato, al quale viene richiesta, ove non già presentata, la compilazione di una dichiarazione per mezzo della quale attesti:

- di essere in possesso dei requisiti indicati nell'avviso;
- di non avere motivi di incompatibilità previsti dalla legge o legati ad interessi di qualsiasi natura con riferimento all'oggetto del rapporto di lavoro;
- di non aver riportato condanne penali e non essere destinatario di provvedimenti che riguardino l'applicazione di misure di prevenzione, di decisioni civili e di provvedimenti amministrativi iscritti nel casellario giudiziale;
- la veridicità delle dichiarazioni riportate nella domanda/nel curriculum e l'impegno a comunicare eventuali successive modifiche.

Per quanto non previsto dal presente avviso di selezione si rinvia al "[Regolamento per la selezione delle risorse umane presso la Fondazione Edmund Mach](#)".

f.to

Il Direttore Generale
Dott. Sergio Menapace